Figure 1A

Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot, while a dash (-) indicates a nonexistent nucleotide.

```
             *        20         *        40         *
Seqid1 : ATGAAAACAACCGACAAACGGACAACCGAAACACACCGCAAAGCCCCGAA :    50
Seqid3 : ................................................. :    50


             60         *        80         *        100
Seqid1 : AACCGGTCGCATCCGCTTCTCGCCTGCTTACTTAGCCATATGCCTGTCGT :   100
Seqid3 : ......C.......................................... :   100


             *        120        *        140        *
Seqid1 : TCGGCATTCTTCCCCAAGCCTGGGCGGGACACACTTATTTCGGCATCAAC :   150
Seqid3 : ................................................. :   150


             160        *        180        *        200
Seqid1 : TACCAATACTATCGCGACTTTGCCGAAAATAAAGGCAAGTTTGCAGTCGG :   200
Seqid3 : ................................................. :   200


             *        220        *        240        *
Seqid1 : GGCGAAAGATATTGAGGTTTACAACAAAAAAGGGGAGTTGGTCGGCAAAT :   250
Seqid3 : ................................................. :   250


             260        *        280        *        300
Seqid1 : CAATGACAAAAGCCCCGATGATTGATTTTTCTGTGGTGTCGCGTAACGGC :   300
Seqid3 : ................................................. :   300


             *        320        *        340        *
Seqid1 : GTGGCGGCATTGGTGGGCGATCAATATATTGTGAGCGTGGCACATAACGG :   350
Seqid3 : ................................................. :   350
```

Figure 1B

```
              360          *      380          *      400
Seqid1 : CGGCTATAACAACGTTGATTTTGGTGCGGAGGGAAGCAATCCCGATCAGC :  400
Seqid3 : ...............................A.....A...........A. :  400


                   *      420          *      440          *
Seqid1 : ACCGTTTTTCTTATCAAATTGTGAAAAGAAATAATTATAAAGCAGGGACT :  450
Seqid3 : .T......A.....A...........C.G..................... :  450


              460          *      480          *      500
Seqid1 : AACGGTCATCCTTATGGTGGCGATTATCATATGCCGCGTTTACATAAATT :  500
Seqid3 : ..A..C............................................ :  500


                   *      520          *      540          *
Seqid1 : TGTAACCGATGCAGAACCTGTTGAAATGACCAGTTATATGGATGGGCGGA :  550
Seqid3 : ...C..A........................................... :  550


              560          *      580          *      600
Seqid1 : AATATATCGATCAAAATAATTACCCTGACCGTGTTCGTATTGGGGCAGGC :  600
Seqid3 : .................................................. :  600


                   *      620          *      640          *
Seqid1 : AGGCAATATTGGCGATCTGATGAAGATGAGCCCAATAACCGCGAAAGTTC :  650
Seqid3 : .................................................. :  650


              660          *      680          *      700
Seqid1 : ATATCATATTGCAAGTGCGTATTCTTGGCTCGTTGGTGGCAATACCTTTG :  700
Seqid3 : .................................................. :  700


                   *      720          *      740          *
Seqid1 : CACAAAATGGATCAGGTGGTGGCACAGTCAACTTAGGTAGTGAAAAAATT :  750
Seqid3 : .................................................. :  750
```

Figure 1C

```
                 760           *         780           *          800
Seqid1 : AAACATAGCCCATATGGTTTTTTTACCAACAGGAGGCTCATTTGGCGACAG :  800
Seqid3 : ................................................. :  800


                   *          820           *         840           *
Seqid1 : TGGCTCACCAATGTTTATCTATGATGCCCAAAAGCAAAAGTGGTTAATTA :  850
Seqid3 : ................................................. :  850


                 860           *         880           *          900
Seqid1 : ATGGGGTATTGCAAACGGGCAACCCCTATATAGGAAAAAGCAATGGCTTC :  900
Seqid3 : ................................................. :  900


                   *          920           *         940           *
Seqid1 : CAGCTGGTTCGTAAAGATTGGTTCTATGATGAAATCTTTGCTGGAGATAC :  950
Seqid3 : ................................................. :  950


                 960           *         980           *         1000
Seqid1 : CCATTCAGTATTCTACGAACCACATCAAAATGGGAAATACACTTTTCACG : 1000
Seqid3 : ...................G................T....A... : 1000


                   *         1020           *        1040           *
Seqid1 : ACAATAATAATGGCACAGGAAAAATCAATGCCAAACATGAACACAATTCT : 1050
Seqid3 : ..G.............................................. : 1050


                1060           *        1080           *         1100
Seqid1 : CTGCCTAATAGATTAAAAACACGAACCGTTCAATTGTTTAATGTTTCTTT : 1100
Seqid3 : ................................................. : 1100


                   *         1120           *        1140           *
Seqid1 : ATCCGAGACAGCAAGAGAACCTGTTTATCATGCTGCAGGTGGTGTCAACA : 1150
Seqid3 : ................................................. : 1150
```

Figure 1D

```
              1160            *       1180            *       1200
Seqid1 : GTTATCGACCCAGACTGAATAATGGAGAAAATATTTCCTTTATTGACGAA : 1200
Seqid3 : ................................................. : 1200


                   *       1220            *       1240            *
Seqid1 : GGAAAAGGCGAATTGATACTTACCAGCAACATCAATCAAGGTGCTGGAGG : 1250
Seqid3 : ................................................. : 1250


              1260            *       1280            *       1300
Seqid1 : ATTATATTTCCAAGGAGATTTTACGGTCTCGCCTGAAAATAACGAAACGT : 1300
Seqid3 : ................................................. : 1300


                   *       1320            *       1340            *
Seqid1 : GGCAAGGTGCGGGCGTTCATATCAGTGAAGACAGTACCGTTACTTGGAAA : 1350
Seqid3 : ................................................. : 1350


              1360            *       1380            *       1400
Seqid1 : GTAAACGGCGTGGCAAACGACCGCCTGTCCAAAATCGGCAAAGGCACGCT : 1400
Seqid3 : ................................................. : 1400


                   *       1420            *       1440            *
Seqid1 : GCACGTTCAAGCCAAAGGGGAAAACCAAGGCTCGATCAGCGTGGGCGACG : 1450
Seqid3 : ................................................. : 1450


              1460            *       1480            *       1500
Seqid1 : GTAAAGTTATTTTAGATCAACAAGCAGATGAAAATAATAAAAAACAAGCC : 1500
Seqid3 : ...C...C.....G.....G..G.....C..T..AGGC............ : 1500


                   *       1520            *       1540            *
Seqid1 : TTTAGTGAAATCGGCTTGGTCAGCGGCAGGGGTACGGTGCAACTGAATGC : 1550
Seqid3 : ................................................. : 1550
```

Figure 1E

```
               1560          *         1580          *         1600
Seqid1 : CGATAATCAGTTCAACCCCGACAAACTCTATTTCGGCTTTCGCGGCGGAC : 1600
Seqid3 : .............................................. : 1600


                 *         1620          *         1640          *
Seqid1 : GTTTGGATTTGAACGGGCATTCGCTTTCGTTCCACCGTATTCAAAATACC : 1650
Seqid3 : .........A.................................... : 1650


               1660          *         1680          *         1700
Seqid1 : GATGAAGGGGCGATGATTGTCAACCACAATCAAGACAAAGAATCCACCGT : 1700
Seqid3 : .............................................. : 1700


                 *         1720          *         1740          *
Seqid1 : TACCATTACAGGCAATAAAGATATTGCTACAACCGGCAATAACAACAGCT : 1750
Seqid3 : .............................................. : 1750


               1760          *         1780          *         1800
Seqid1 : TGGATAGCAAAAAAGAAATTGCCTACAACGGTTGGTTTGGCGAGAAAGAT : 1800
Seqid3 : .............................................. : 1800


                 *         1820          *         1840          *
Seqid1 : ACGACCAAAACGAACGGGCGGCTCAACCTTGTTTACCAGCCCGCCGCAGA : 1850
Seqid3 : .............................................. : 1850


               1860          *         1880          *         1900
Seqid1 : AGACCGCACCCTGCTGCTTTCCGGCGGAACAAATTTAAACGGTAACATCA : 1900
Seqid3 : ...............................................C...... : 1900


                 *         1920          *         1940          *
Seqid1 : CGCAAACAAACGGCAAACTGTTTTTCAGCGGCAGACCGACACCGCACGCC : 1950
Seqid3 : ..............................................A............ : 1950
```

Figure 1F

```
              1960          *          1980          *          2000
Seqid1 : TACAATCATTTAGGAAGCGGGTGGTCAAAAATGGAAGGTATCCCACAAGG : 2000
Seqid3 : ..........AACGA.CAT....GC...AA..G..C..T...GC.. : 2000


                   *          2020          *          2040          *
Seqid1 : AGAAATCGTGTGGGACAACGACTGGATCAACCGCACGTTTAAAGCGGAAA : 2050
Seqid3 : G.................................A............ : 2050


              2060          *          2080          *          2100
Seqid1 : ATTTCCATATTCAGGGCGGGCAGGCGGTGATTTCCCGCAATGTTGCCAAA : 2100
Seqid3 : .C....A..A.A....A.......G.................. : 2100


                   *          2120          *          2140          *
Seqid1 : GTGGAAGGCGATTGGCATTTGAGCAATCACGCCCAAGCAGTTTTTGGTGT : 2150
Seqid3 : ...A.......................................... : 2150


              2160          *          2180          *          2200
Seqid1 : CGCACCGCATCAAAGCCACACAATCTGTACACGTTCGGACTGGACGGGTC : 2200
Seqid3 : ............................................. : 2200


                   *          2220          *          2240          *
Seqid1 : TGACAAATTGTGTCGAAAAAACCATTACCGACGATAAAGTGATTGCTTCA : 2250
Seqid3 : ............................................. : 2250


              2260          *          2280          *          2300
Seqid1 : TTGACTAAGACCGACATCAGCGGCAATGTCAGCCTTGCCGATCACGCTCA : 2300
Seqid3 : .........................GAT............... : 2300


                   *          2320          *          2340          *
Seqid1 : TTTAAATCTCACAGGGCTTGCCACACTCAACGGCAATCTTAGTGCAAATG : 2350
Seqid3 : ............................................. : 2350
```

Figure 1G

```
               2360          *        2380          *        2400
Seqid1 : GCGATACACGTTATACAGTCAGCCACAACGCCACCCAAAACGGCGACCTT : 2400
Seqid3 : .........................................A.... : 2400


                   *        2420          *        2440          *
Seqid1 : AGCCTCGTGGGCAATGCCCAAGCAACATTTAATCAAGCCACATTAAACGG : 2450
Seqid3 : ......................................... : 2450


               2460          *        2480          *        2500
Seqid1 : CAACACATCGGCTTCGGGCAATGCTTCATTTAATCTAAGCAACAACGCCG : 2500
Seqid3 : ...............................G..C...... : 2500


                   *        2520          *        2540          *
Seqid1 : TACAAAACGGCAGTCTGACGCTTTCCGGCAACGCTAAGGCAAACGTAAGC : 2550
Seqid3 : ......................................... : 2550


               2560          *        2580          *        2600
Seqid1 : CATTCCGCACTCAACGGTAATGTCTCCCTAGCCGATAAGGCAGTATTCCA : 2600
Seqid3 : ......................................... : 2600


                   *        2620          *        2640          *
Seqid1 : TTTTGAAAGCAGCCGCTTTACCGGACAAATCAGCGGCAGCAAGGATACGG : 2650
Seqid3 : .............................G........... : 2650


               2660          *        2680          *        2700
Seqid1 : CATTACACTTAAAAGACAGCGAATGGACGCTGCCGTCAGGCACGGAATTA : 2700
Seqid3 : ......................................... : 2700


                   *        2720          *        2740          *
Seqid1 : GGCAATTTAAACCTTGACAACGCCACCATTACACTCAATTCCGCCTATCG : 2750
Seqid3 : ......................................... : 2750
```

Figure 1H

```
              2760          *      2780          *      2800
Seqid1 : CCACGATGCGGCAGGGGCGCAAACCGGCAGTGCGACAGATGCGCCGCGC-  : 2799
Seqid3 : ...................................................C  : 2800


                   *      2820          *      2840          *
Seqid1 : --------CGCCGTTCGCGCCGTTCCCTATTATCCGTTACACCTCCGGCT  : 2841
Seqid3 : GCCGTTCG.............................G..AA..  : 2850


              2860          *      2880          *      2900
Seqid1 : TCGGCAGAATCCCATTTCAACACGCTGACGGTAAACGGCAAATTGAACGG  : 2891
Seqid3 : ....T.......G...................................  : 2900


                   *      2920          *      2940          *
Seqid1 : TCAGGGAACATTCCGCTTTATGTCGGAACTCTTCGGCTACCGAAGCGACA  : 2941
Seqid3 : ...................................C......  : 2950


              2960          *      2980          *      3000
Seqid1 : AATTGAAGCTGGCGGAAAGTTCCGAAGGCACTTACACCTTGGCGGTCAAC  : 2991
Seqid3 : ..............................................  : 3000


                   *      3020          *      3040          *
Seqid1 : AATACCGGCAACGAACCCGTAAGCCTCGATCAATTGACGGTAGTGGAAGG  : 3041
Seqid3 : ................T.C.....T..A..................  : 3050


              3060          *      3080          *      3100
Seqid1 : GAAAGACAACAAACCGCTGTCCGAAAACCTTAATTTCACCCTGCAAAACG  : 3091
Seqid3 : A.......................T.........T........  : 3100


                   *      3120          *      3140          *
Seqid1 : AACACGTCGATGCCGGCGCGTGGCGTTACCAACTCATCCGCAAAGACGGC  : 3141
Seqid3 : ..............................................  : 3150
```

Figure 1I

```
                  3160          *         3180          *         3200
Seqid1 : GAGTTCCGCCTGCATAATCCGGTCAAAGAACAAGAGCTTTCCGACAAACT : 3191
Seqid3 : ...............................................  : 3200


                     *         3220          *         3240          *
Seqid1 : CGGCAAGGCAGAAGCCAAAAAACAGGCGGGAAAAGACAACGCGCAAAGCC : 3241
Seqid3 : ............................A....................  : 3250


                  3260          *         3280          *         3300
Seqid1 : TTGACGCGCTGATTGCGGCCGGGCGCGATGCCGTCGAAAAGACAGAAAGC : 3291
Seqid3 : ...............................................  : 3300


                     *         3320          *         3340          *
Seqid1 : GTTGCCGAACCGGCCCGGCAGGCAGGCGGGGAAAATGTCGGCATTATGCA : 3341
Seqid3 : ...............................................  : 3350


                  3360          *         3380          *         3400
Seqid1 : GGCGGAGGAAGAGAAAAAACGGGTGCAGGCGGATAAAGACACCGCCTTGG : 3391
Seqid3 : ...............................................  : 3400


                     *         3420          *         3440          *
Seqid1 : CGAAACAGCGCGAAGGGAAAACCCGGCCGGCTACCACCGCCTTCCCCCGC : 3441
Seqid3 : ............C.G................................  : 3450


                  3460          *         3480          *         3500
Seqid1 : GCCCGCCGCGCCCGCCGGGATTTGCCGCAACCGCAGCCCCAACCGCAACC : 3491
Seqid3 : ..............................T...A.........G...  : 3500


                     *         3520          *         3540          *
Seqid1 : CCAACCGCAGCGCGACCTGATCAGCCGTTATGCCAATAGCGGTTTGAGTG : 3541
Seqid3 : ...............................................  : 3550
```

Figure 1J

```
            3560          *       3580          *       3600
Seqid1 : AATTTTCCGCCACGCTCAACAGCGTTTTCGCCGTACAGGACGAATTAGAC : 3591
Seqid3 : ................................................. : 3600


             *       3620          *       3640          *
Seqid1 : CGCGTATTTGCCGAAGACCGCCGCAACGCCGTTTGGACAAGCGGCATCCG : 3641
Seqid3 : ..............A.................................. : 3650


            3660          *       3680          *       3700
Seqid1 : GGACACCAAACACTACCGTTCGCAAGATTTCCGCGCCTACCGCCAACAAA : 3691
Seqid3 : ................................................. : 3700


             *       3720          *       3740          *
Seqid1 : CCGACCTGCGCCAAATCGGTATGCAGAAAAACCTCGGCAGCGGGCGCGTC : 3741
Seqid3 : ................................................. : 3750


            3760          *       3780          *       3800
Seqid1 : GGCATCCTGTTTTCGCACAACCGGACCGAAAACACCTTCGACGACGGCAT : 3791
Seqid3 : ................................................. : 3800


             *       3820          *       3840          *
Seqid1 : CGGCAACTCGGCACGGCTTGCCCACGGCGCCGTTTTCGGGCAATACGGCA : 3841
Seqid3 : ................................................. : 3850


            3860          *       3880          *       3900
Seqid1 : TCGGCAGGTTCGACATCGGCATCAGCACGGGCGCGGGTTTTAGCAGCGGC : 3891
Seqid3 : ...A.....T...........G........................... : 3900


             *       3920          *       3940          *
Seqid1 : AGTCTTTCAGACGACATCGGAAGCAAAATCCGCCGCCGCGTGCTGCATTA : 3941
Seqid3 : ..C.........G......G............................. : 3950
```

Figure 1K

```
              3960          *        3980          *        4000
Seqid1 : CGGCATTCAGGCACGATACCGCGCCGGTTTCGGCGGATTCGGCATCGAAC : 3991
Seqid3 : ................................................. : 4000


                    *        4020          *        4040          *
Seqid1 : CGCACATCGGCGCAACGCGCTATTTCGTCCAAAAAGCGGATTACCGCTAC : 4041
Seqid3 : ................................................. : 4050


              4060          *        4080          *        4100
Seqid1 : GAAAACGTCAATATCGCCACCCCCGGCCTTGCGTTCAACCGCTACCGCGC : 4091
Seqid3 : ...............................A................. : 4100


                    *        4120          *        4140          *
Seqid1 : GGGCATTAAGGCAGATTATTCATTCAAACCGGCGCAACACATTTCCATCA : 4141
Seqid3 : ................................................. : 4150


              4160          *        4180          *        4200
Seqid1 : CGCCTTATTTGAGCCTGTCCTATACCGATGCCGCTTCGGGCAAAGTCCGA : 4191
Seqid3 : ................................................. : 4200


                    *        4220          *        4240          *
Seqid1 : ACGCGCGTCAATACCGCCGTATTGGCTCAGGATTTCGGCAAAACCCGCAG : 4241
Seqid3 : ..A.............................................. : 4250


              4260          *        4280          *        4300
Seqid1 : TGCGGAATGGGGCGTAAACGCCGAAATCAAAGGTTTCACGCTGTCCCTCC : 4291
Seqid3 : ............................C.................... : 4300


                    *        4320          *        4340          *
Seqid1 : ACGCTGCCGCCGCCAAAGGCCCGCAACTGGAAGCGCAACACAGCGCGGGC : 4341
Seqid3 : ................................................. : 4350
```

Figure 1L

```
                     4360              *
Seqid1  :  ATCAAATTAGGCTACCGCTGGTAA  :  4365
Seqid3  :  ….....................  :  4374
```

Figure 2A

Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot, while a dash (-) indicates a nonexistent amino acid.

```
                *          20          *          40          *
Seqid2  :  MKTTDKRTTETHRKAPKTGRIRFSPAYLAICLSFGILPQAWAGHTYFGIN  :   50
Seqid4  :  .................................................  :   50


                60          *          80          *          100
Seqid2  :  YQYYRDFAENKGKFAVGAKDIEVYNKKGELVGKSMTKAPMIDFSVVSRNG  :  100
Seqid4  :  .................................................  :  100


                *          120          *          140          *
Seqid2  :  VAALVGDQYIVSVAHNGGYNNVDFGAEGSNPDQHRFSYQIVKRNNYKAGT  :  150
Seqid4  :  ..............................R.......T.K.........  :  150


                160          *          180          *          200
Seqid2  :  NGHPYGGDYHMPRLHKFVTDAEPVEMTSYMDGRKYIDQNNYPDRVRIGAG  :  200
Seqid4  :  K................................................  :  200


                *          220          *          240          *
Seqid2  :  RQYWRSDEDEPNNRESSYHIASAYSWLVGGNTFAQNGSGGGTVNLGSEKI  :  250
Seqid4  :  .................................................  :  250


                260          *          280          *          300
Seqid2  :  KHSPYGFLPTGGSFGDSGSPMFIYDAQKQKWLINGVLQTGNPYIGKSNGF  :  300
Seqid4  :  .................................................  :  300


                *          320          *          340          *
Seqid2  :  QLVRKDWFYDEIFAGDTHSVFYEPHQNGKYTFHDNNNGTGKINAKHEHNS  :  350
Seqid4  :  ......................R.....S.N.D.................  :  350
```

Figure 2B

```
            360        *        380        *        400
Seqid2 : LPNRLKTRTVQLFNVSLSETAREPVYHAAGGVNSYRPRLNNGENISFIDE :  400
Seqid4 : .................................................. :  400


            *        420        *        440        *
Seqid2 : GKGELILTSNINQGAGGLYFQGDFTVSPENNETWQGAGVHISEDSTVTWK :  450
Seqid4 : ................................................. :  450


            460        *        480        *        500
Seqid2 : VNGVANDRLSKIGKGTLHVQAKGENQGSISVGDGKVILDQQADENNKKQA :  500
Seqid4 : .......................................T.......DKG.... :  500


            *        520        *        540        *
Seqid2 : FSEIGLVSGRGTVQLNADNQFNPDKLYFGFRGGRLDLNGHSLSFHRIQNT :  550
Seqid4 : ................................................. :  550


            560        *        580        *        600
Seqid2 : DEGAMIVNHNQDKESTVTITGNKDIATTGNNNSLDSKKEIAYNGWFGEKD :  600
Seqid4 : ................................................. :  600


            *        620        *        640        *
Seqid2 : TTKTNGRLNLVYQPAAEDRTLLLSGGTNLNGNITQTNGKLFFSGRPTPHA :  650
Seqid4 : ................................................. :  650


            660        *        680        *        700
Seqid2 : YNHLGSGWSKMEGIPQGEIVWDNDWINRTFKAENFHIQGGQAVISRNVAK :  700
Seqid4 : ....NDH..QK....R.................Q.K....V...... :  700


            *        720        *        740        *
Seqid2 : VEGDWHLSNHAQAVFGVAPHQSHTICTRSDWTGLTNCVEKTITDDKVIAS :  750
Seqid4 : .K............................................... :  750
```

Figure 2C

```
              760          *         780          *         800
Seqid2 : LTKTDISGNVSLADHAHLNLTGLATLNGNLSANGDTRYTVSHNATQNGDL :  800
Seqid4 : ..........D.................................N. :  800


                   *         820          *         840          *
Seqid2 : SLVGNAQATFNQATLNGNTSASGNASFNLSNNAVQNGSLTLSGNAKANVS :  850
Seqid4 : ..............................DH................. :  850


              860          *         880          *         900
Seqid2 : HSALNGNVSLADKAVFHFESSRFTGQISGSKDTALHLKDSEWTLPSGTEL :  900
Seqid4 : ............................G.................... :  900


                   *         920          *         940          *
Seqid2 : GNLNLDNATITLNSAYRHDAAGAQTGSATDAPR---RRSRRSLLSVTPPA :  947
Seqid4 : ...............................RRS...........T :  950


              960          *         980          *        1000
Seqid2 : SAESHFNTLTVNGKLNGQGTFRFMSELFGYRSDKLKLAESSEGTYTLAVN :  997
Seqid4 : .V..R........................................ : 1000


                   *        1020          *        1040          *
Seqid2 : NTGNEPVSLDQLTVVEGKDNKPLSENLNFTLQNEHVDAGAWRYQLIRKDG : 1047
Seqid4 : ......A..E.............F..................... : 1050


             1060          *        1080          *        1100
Seqid2 : EFRLHNPVKEQELSDKLGKAEAKKQAGKDNAQSLDALIAAGRDAVEKTES : 1097
Seqid4 : ............................E.................... : 1100


                   *        1120          *        1140          *
Seqid2 : VAEPARQAGGENVGIMQAEEEKKRVQADKDTALAKQREGKTRPATTAFPR : 1147
Seqid4 : ...............................AE......... : 1150
```

Figure 2D

```
              1160           *        1180           *        1200
Seqid2 : ARRARRDLPQPQPQPQPQPQRDLISRYANSGLSEFSATLNSVFAVQDELD : 1197
Seqid4 : ….……..L….….….….….….….….….….….….….….….….…. : 1200


                    *        1220           *        1240           *
Seqid2 : RVFAEDRRNAVWTSGIRDTKHYRSQDFRAYRQQTDLRQIGMQKNLGSGRV : 1247
Seqid4 : ….…E….….….….….….….….….….….….….….….….….…. : 1250


              1260           *        1280           *        1300
Seqid2 : GILFSHNRTENTFDDGIGNSARLAHGAVFGQYGIGRFDIGISTGAGFSSG : 1297
Seqid4 : ….….….….….….….….….….….….….….….D..Y….A…..... : 1300


                    *        1320           *        1340           *
Seqid2 : SLSDDIGSKIRRRVLHYGIQARYRAGFGGFGIEPHIGATRYFVQKADYRY : 1347
Seqid4 : ….G..G….….….….….….….….….….….….….….….….…. : 1350


              1360           *        1380           *        1400
Seqid2 : ENVNIATPGLAFNRYRAGIKADYSFKPAQHISITPYLSLSYTDAASGKVR : 1397
Seqid4 : ….….….….….….….….….….….….….….….….….….…. : 1400


                    *        1420           *        1440           *
Seqid2 : TRVNTAVLAQDFGKTRSAEWGVNAEIKGFTLSLHAAAAKGPQLEAQHSAG : 1447
Seqid4 : ….….….….….….….….….….….….….….….….….….…. : 1450


Seqid2 : IKLGYRW : 1454
Seqid4 : ….….... : 1457
```
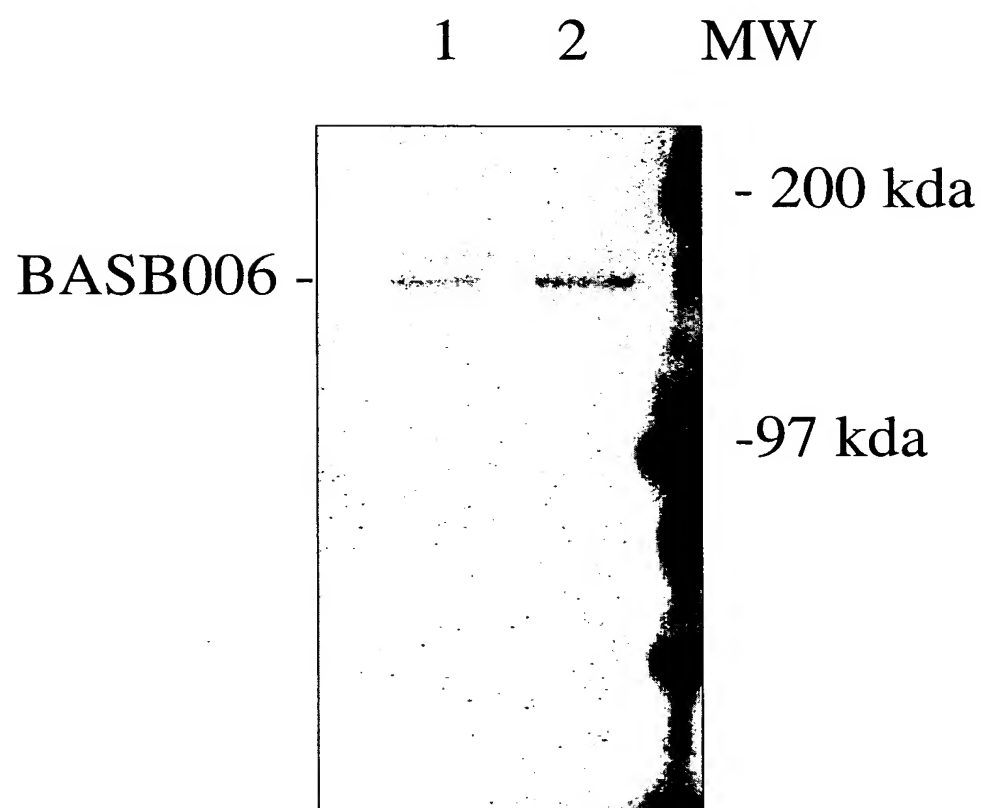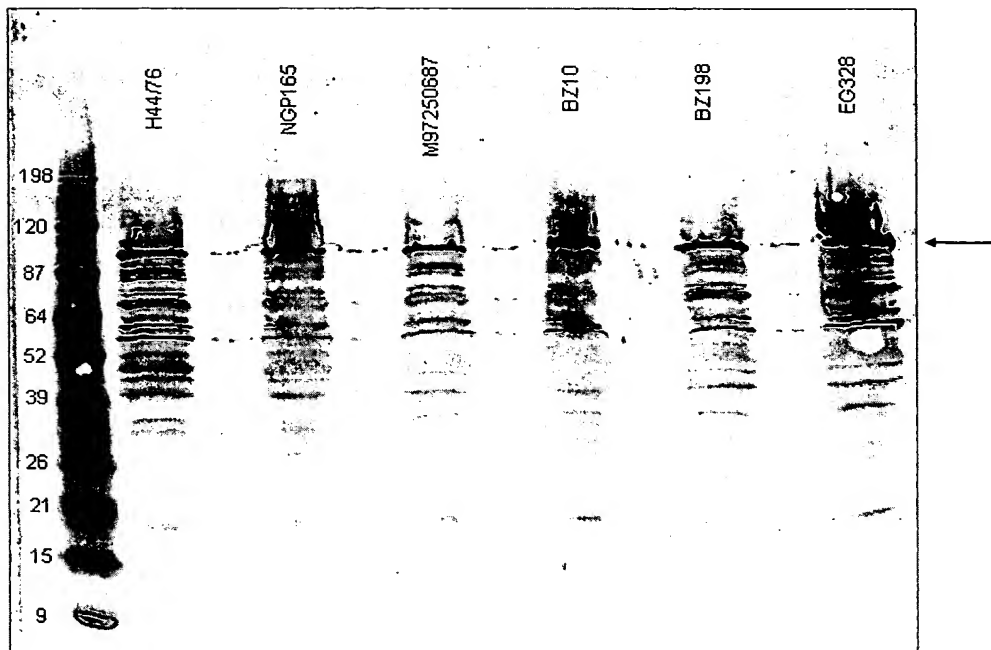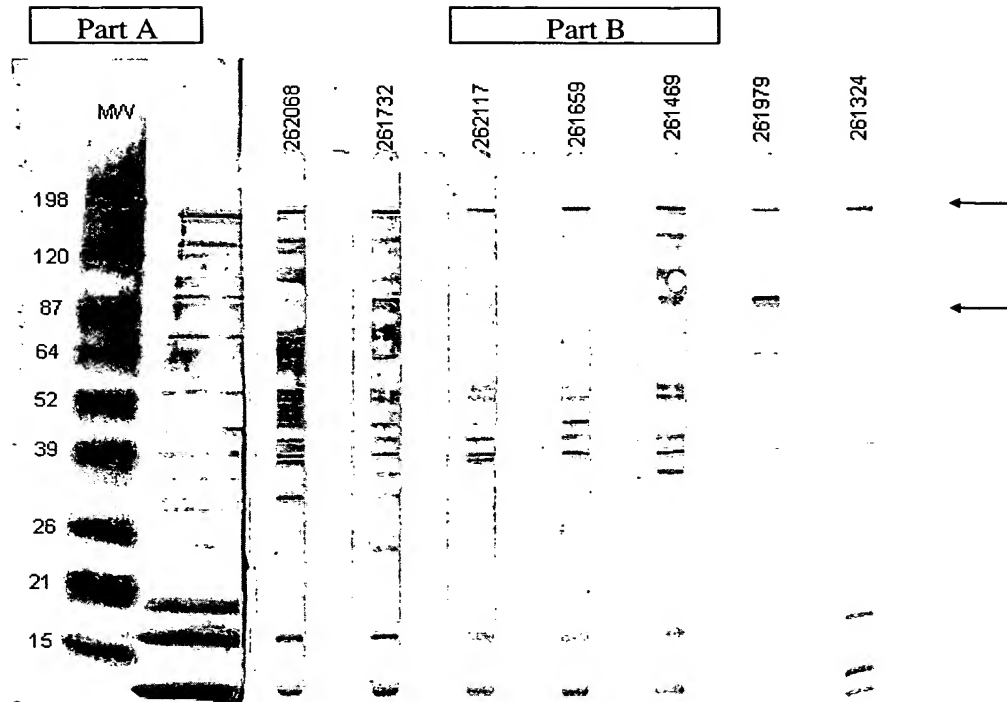
Figure 3

Figure 4

Figure 5

Anti-BASB006 antibodies in human convalescent sera (part B) and in immunized mice (part A).